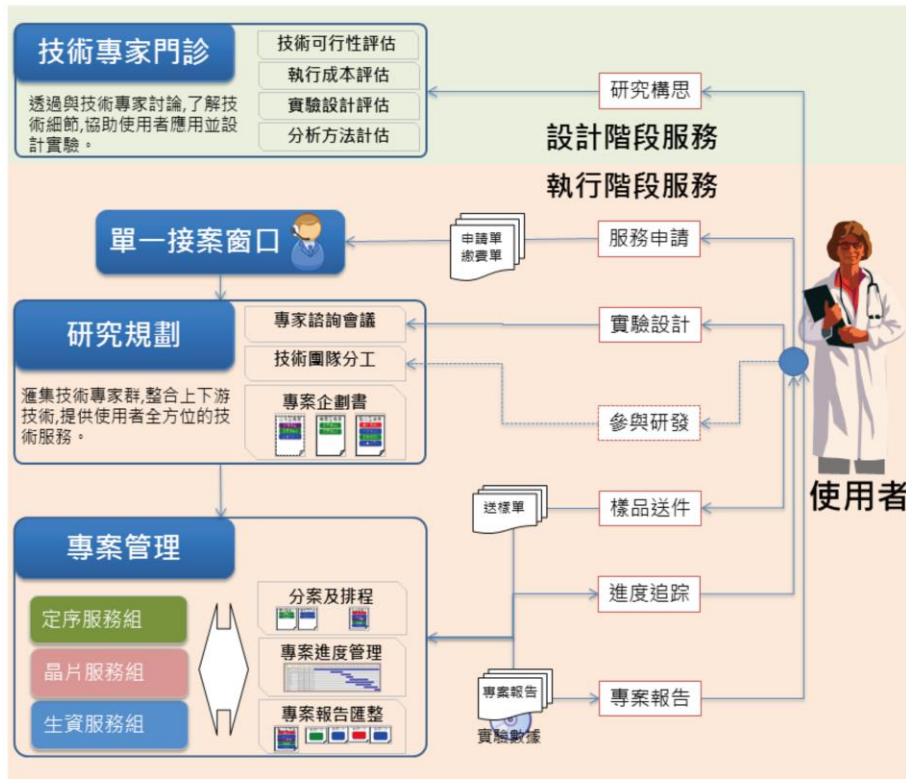




C1 基因體學臨床及產業應用發展中心

新型態的分析服務以使用者為中心的整合服務



- 超高通量
- 超微量
- 單細胞定序
- 免疫定序

垂直整合上下游技術鏈完整的基因體分析平台



- Human variant identification and annotation (including Taiwan View frequency data)
- Integrated analysis with public data sets (TCGA, Taiwan Biobank)
- Genome assembly & annotation for WGS data
- Comparative genomics analysis & functional annotation of novel bacterial strains
- 16S rRNA microbiome analysis



整合型技術專家諮詢服務

以 Discovery-driven approach 的基因體研究特殊之處是無法預測實驗結果，所以只能在沒有任何其它證據下，選擇相信實驗結果逐一去驗證。因此實驗設計非常重要，因為在沒有魚的池子中是永遠撈不到魚的，不良的設計可能因為無法排除特定實驗變因、雜訊比高、解析度不足或統計方法應用不當，造成後續浪費大量時間在驗證卻終究註定失敗。在我們過去十年的服務經驗中這樣例子屢見不鮮，所以我們組織了一個專家團隊，在研究進行時先為您評估實驗的可行性及最符合成本效益的技術平台，設法為您打造好釣又有魚的池子。想應用基因體學技術及新進的生物資訊分析卻又不知如何下手嗎？您可以帶著您的研究、問題或著只是構想與我們經驗豐富的技術專家討論，為您的研究找到最精準又最經濟的研究途徑。

申請辦法：

1. 預約時登錄討論主題或希望先準備的資料，需在兩日前完成預約，以便準備討論資料。
2. 會談內容雙方將會有正式紀錄及保密協定，作為備忘及保障。
3. 每次申請討論時間為一小時，儘可能準時結束以免影響其它申請人權益。
4. 預約時間十五分鐘未到視為放棄，無故未到二次者，取消預約資格。

申請方式：

網址:專家諮詢的網址也請更改為：

http://genoinfocore.crc.nycu.edu.tw/?page_id=414

技術專家陣容

人員	單位	技術專長
楊永正	生物醫學資訊所	生物資訊
黃彥華	生物醫學資訊所	生物資訊
劉孜孜	腫瘤惡化卓越研究中心	定序技術
高森	腫瘤惡化卓越研究中心	定序技術分析
董建億	腫瘤惡化卓越研究中心	定序、基因表達晶片分析
陳建鋒	腫瘤惡化卓越研究中心	SNP, GWAS 晶片分析， pyro-sequencing
花嘉玲	腫瘤惡化卓越研究中心	RT-QPCR, Open Array 技術
徐志欣	腫瘤惡化卓越研究中心	Single cell/spacial sequencing

專業服務團隊

團隊主要成員	
楊慕華	計畫主持人
林奇宏	共同計畫主持人
蔡世峯	共同計畫主持人
楊永正	共同計畫主持人
董建億	專案經理
劉孜孜	研發經理
花嘉玲	服務經理
蔡毓舜	生資經理