高通量基因體暨巨量資料分析核心設施

技術專家諮詢服務紀錄單

諮詢日期： 年 月 日

|  |
| --- |
| 服務申請人資料 |
| 姓名\*： | 職稱\*： |
| 服務機構及單位\*:  | 辦公室電話\*： |
| 電子郵件信箱\*：  | 其他連絡電話： |
| 需求說明\* ( |
|  |

|  |
| --- |
| 諮詢負責人資料 |
| 姓名\*︰  | 職稱： |
| 電子郵件信箱\*： | 辦公室電話\*： |
| 建議與討論 |
| **內容摘要\*# :** |
| **推薦的分析服務項目：** |
|  |

|  |
| --- |
| 服務滿意度 |
| 🞏非常滿意 🞏滿意 🞏普通 🞏可接受 🞏待改進 |
| 意見： |
| 服務申請人 |  | 諮詢負責人 |  |

**\*:　比填選項。**

**#:　內容摘要為諮詢服務之紀錄，作為申請人及諮詢人員及後續執行的備忘錄。申請人若有簽具保密協定時，本紀錄將是定義討論及內容範圍的主要依據。**

高通量基因體暨巨量資料分析核心設施

技術專家諮詢服務紀錄單(範例)

諮詢日期： 年 月 日

|  |
| --- |
| 服務申請人資料 |
| 姓名\*：王大為 | 職稱\*：主治大夫 |
| 服務機構及單位\*: 台北榮民總醫院腫瘤科 | 辦公室電話\*：28267777#1235 |
| 電子郵件信箱\*： dwwang@vghtpe.gov.tw | 其他連絡電話： |
| 需求說明 |
| 想利用收集肺癌/週邊正常組織的樣品，希望可以利用基因體技術找出分類三型肺癌的生物標幟,想了解要用晶片還是NGS比較合適 |

|  |
| --- |
| 諮詢負責人資料 |
| 姓名\*︰ 李大同 | 職稱：博士後研究員 |
| 電子郵件信箱\*：dtlee@ym.edu.tw | 辦公室電話\*： |
| 建議與討論 |
| **內容摘要\*:**1. 樣品以石臘樣品為主,RNA的完整性不佳,分型以DNA變異研究比較合適。
2. 主要關注在基因,可探用exom seq平台,較合成本效益。
3. 但個體間有可能數千個背景差異,可能無法容易從少數樣品中歸納出，三型間是否能從有限樣品中找到共有的差異,也是困難點。建議先決定出篩選策略，或由生資分析作先期研究、再評估送件exom seq。
 |
| **推薦的分析服務項目：** |
| 生資服務:由 TCGA 資料庫找出可用資料,套用篩選策略,作先期測試WES定序：作樣品的全基因序列變異分析，進一步限縮範圍．生資服務:由三型的生物特性，從基因功能，進一步限縮範圍．MassArray/OpenArray: 針對目標基因群作大規模驗證。 |

|  |
| --- |
| 服務滿意度 |
| 🗹非常滿意 🞏滿意 🞏普通 🞏可接受 🞏待改進 |
| 意見：我了解了，謝謝你，我愛你！ |
| 服務申請人 |  | 諮詢負責人 |  |